|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **CENTRES QUALIFIEURS / EXTRACTEURS (CQEx) DU LBM SeqOIA** | | |
| **Institut Curie** | **Gustave Roussy** | **HEGP** |

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **IDENTIFICATION DU PATIENT** | | |
| **Nom :** Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. | **Nom de naissance :** Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. | ***Espace réservé au LBM SeqOIA*** |
| **Prénom :** Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. | **Né(e) le :** Cliquez ou appuyez ici pour entrer une date. |
| **Sexe :**  M  F |

|  |
| --- |
| **Envoi uniquement de l’ARN pour transcriptome première ligne**   * Compléter uniquement la partie qualification ARN |

|  |  |
| --- | --- |
| **Prescription ID (cf. SPICE) :** | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **EXTRACTION ADN TUMORAL**  ***Intégrer dans SPICE les rapports obtenus et les fichiers brutes (Fragment Analyzer,*** ***BioAnalyzer, TapeStation)*** | | | |
| **Date et méthode d’extraction** | Cliquez ou appuyez ici pour entrer une date. | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. | |
| **Date et méthode de quantification (fluorimétrie)** | Cliquez ou appuyez ici pour entrer une date. | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. | |
| **Date et méthode de qualification** | Cliquez ou appuyez ici pour entrer une date.  Choisissez un élément. | | |
| **RESULTATS EXTRACTION ADN TUMORAL**  **Quantification et Qualification** | | | |
|  | **Minimum attendu** | | **Obtenu** |
| **Concentration (ng/μL)** | **≥ 25 ng/µL** | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **Quantité (ng)** | **≥ 1 000 ng**  **(quantité minimum pour 1 WGS et 1 WES)** | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **Volume (µL)** | **˃ 20µL** | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **Valeur du DQN (DIN)** | **˃ 6** | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **Identification du tube de transfert FluidXTM** | **FluidXTM 0,7 mL** | | **Code 2D ADN :** Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **TEMPÉRATURE DE CONSERVATION DE L’ADN TUMORAL AVANT ENVOI** | | | |
| **Température (°C)** | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. | | |

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| **EXTRACTION ARN TUMORAL**  **Intégrer dans SPICE les rapports obtenus et les fichiers bruts (Fragment Analyzer, BioAnalyzer, TapeStation)** | | | | |
| **Date et méthode d’extraction** | Cliquez ou appuyez ici pour entrer une date. | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. | |
| **Date et méthode de quantification et qualification** | Cliquez ou appuyez ici pour entrer une date.  Choisissez un élément. | | | |
| **RESULTATS EXTRACTION ARN TUMORAL**  **Quantification & Qualification** | | | | |
|  | | **Minimum attendu** | | **Obtenu** |
| **Concentration (ng/μL) obtenue**  **en sélectionnant les fragments d’ARN ≥ 200 nucléotides** | | **≥ 10 ng/µL** | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **Quantité (ng)** | | **≥ 200 ng**  **(quantité minimum pour 1 WTS)** | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **Volume (µL)** | | **˃ 20µL** | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **Valeur du RQN (RIN)** | | **≥ 5** | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **Valeur de la DV200** | | **≥ 60%** | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **Identification du tube de transfert FluidXTM** | | **FluidXTM 0,7 mL** | | **Code 2D ARN WTS :** Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. |
| **TEMPÉRATURE DE CONSERVATION DE L’ARN TUMORAL AVANT ENVOI** | | | | |
| **Température (°C)** | | Cliquez ou appuyez ici pour entrer du texte. | | |

**IMPORTANT**

**Les *minima* attendus correspondent à la réalisation d’une seule expérience (WGS, WES ou WTS). Dans la mesure du possible, il est demandé d’envoyer le double des quantités minimales attendues (*i.e.* 2000 ng d’ADN pour réaliser deux fois les WGS et WES et 400ng d’ARN pour réaliser deux fois le WTS).**

**En cas de valeurs à la limite des pré-requis, il est possible de contacter par mail le LBM SeqOIA afin d’évaluer la pertinence d’une dérogation pour réaliser le séquençage à très haut débit (indiquer dans l’objet « Dérogation envoi acides nucléiques ») :** [**seqoia@aphp.fr**](mailto:seqoia@aphp.fr)